| ชื่อวิทยานิพนธ์ | ผลของเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์ต่อสมบัติการเกิดเจล และ |
| :--- | :--- |
|  | การเชื่อมประสานของโปรตีนกล้ามเนื้อจากสัตว์น้ำชนิดต่างๆ |
| ผู้เขียน | นางสาวอัจฉรา ธรรมทินนะ |
| สาขาวิชา | เทคโนโลยีอาหาร |
| ปีการศึกษา | 2549 |

## บทคัดย่อ

การศึกษาผลของเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์ที่ระดับต่างๆ ต่อการ เชื่อมประสานโปรตีน และสมบัติของเจลจากกุ้งขาว ปลาตาหวาน และปลาปากคม ซึ่งเซ็ทตัวที่ อุณหภูมิ 25 องศาเซสเซียส นาน 2 ชั่วโมง หรือ 40 องศาเซลเซียส นาน 30 นาที ตามด้วยการให้ ความร้อนที่อุณหภูมิ 90 องศาเซลเซียส นาน 20 นาที พบว่าค่าแรงเจาะทะลุของเจลจากสัตว์น้ำทั้ง 3 ชนิดเพิ่มขึ้นเมื่อระดับของเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์เพิ่มขึ้น อย่างไรก็ตามไม่มีการ เปลี่ยนแปลงระยะทางก่อนเจาะทะลุของเจลจากกุ้งขาว โดยทั่วไปเจลที่เซ็ทตัวที่อุณหภูมิ 40 องศา เซลเซียสให้ค่าความแข็งแรงของเจลสูงกว่าเจลที่เซ็ทตัวที่อุณหภูมิ 25 องศาเซลเซียส ในขณะที่ เจลจากกุ้งขาวที่เซ็ทตัวที่อุณหภูมิปานกลาง ( 25 องศาเซลเซียส นาน 2 ชั่วโมง) ตามด้วยการให้ความ ร้อนที่อุณหภูมิ 90 องศาเซลเซียส นาน 20 นาที ให้ค่าความแข็งแรงของเจลสูงกว่าเจลกุ้งขาวที่เซ็ท ตัวที่อุณหภูมิสูง ( 40 องศาเซลเซียส นาน 30 นาที) การตรวจสอบรูปแบบโปรตีนโดยเทคนิคเจลอิ เลคโตรโฟลิสิส พบว่าไมโอซินเส้นหนักมีการเชื่อมประสานเพิ่มขึ้นเมื่อเติมเอนไซม์ทรานส์-กลูตา มิเนสจากจุลินทรีย์ โดยผลการเพิ่มความแข็งแรงของเจลขึ้นกับอุณหภูมิการเซ็ทตัว โครงสร้างทาง จุลภาคของเจลที่เติมเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์ มีลักษณะละเอียดมากกว่าและมีช่อง ว่างขนาดเล็กกว่าเมื่อเปรียบเทียบกับเจลที่ไม่เติมเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์โดยไม่ คำนึงถึงสภาวะการเซ็ทตัว ดังนั้นอุณหภูมิในการเซ็ทตัวมีบทบาทสำคัญต่อสมบัติของเจลจากสัตว์ น้ำทั้ง 3 ชนิดที่เติมเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์

จากการศึกษาสมบัติของเจลจากสัตว์น้ำทั้ง 3 ชนิดที่เติมและไม่เติมเอนไซม์ ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรียีที่ระดับ 0.6 ยูนิตต่อกรัม ในระหว่างการเก็บรักษาในน้ำแข็งเป็น เวลาต่างๆ พบว่าเจลจากสัตว์น้ำทั้ง 3 ชนิดมีค่าแรงเจาะทะลุและระยะทางก่อนเจาะทะลุลดลงเมื่อ ระยะเวลาในการเก็บรักษาเพิ่มขึ้น อย่างไรก็ตามการเติมเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์ส่ง ผลให้ค่าแรงเจาะทะลุและระยะทางก่อนเจาะทะลุเพิ่มขึ้นโดยไม่คำนึงถึงระยะเวลาการเก็บรักษาเมื่อ เปรียบเทียบกับการไม่เติมเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์ ปริมาณของเหลวที่ได้จากการ

บีบอัดเพิ่มขึ้นส่วนค่าค่าความขาวลดลงเมื่อระยะเวลาการเก็บรักษาเพิ่มขึ้น ในระหว่างการเก็บรักษา ในน้ำแข็งเป็นเวลา 10 วันพบว่ากิจกรรมของเอนไซม์ $\mathrm{Ca}^{2+}$-ATPase ลดลง ส่วนกิจกรรมของ เอนไซม์ $\mathrm{Mg}^{2+}$-EGTA-ATPase เพิ่มขึ้น แต่ไม่มีการเปลี่ยนแปลงกิจกรรมของเอนไซม์ $\mathrm{Mg}^{2+}-$ $\mathrm{Ca}^{2+}$-ATPase และ $\mathrm{Mg}^{2+}$-ATPase โดยกล้ามเนื้อปลาปากคมมีการเปลี่ยนแปลงมากที่สุดและ ปริมาณฟอร์มัลดีไฮด์มีค่าสูงสุดในปลาปากคมเมื่อเปรียบเทียบกับสัตว์น้ำชนิดอื่น ดังนั้นระยะ เวลาในการเก็บรักษาจัดเป็นปัจจัยสำคัญที่มีอิทธิพลต่อการเปลี่ยนแปลงทางเคมี-กายภาพ และ ความสามารถในการเกิดเจลของสัตว์น้ำทั้ง 3 ชนิดโดยไม่คำนึงถึงการเติมเอนไซม์ทรานส์กลูตามิ เนสจากจุลิน-ทรีย์

จากการศึกษาผลของเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์ ต่อการเชื่อม ประสานของแอกโตไมโอซินธรรมชาติด้วยวิธีการดัดแปรโดยความร้อน ฟอร์มัลดีไฮด์ และการ ย่อยสลาย พบว่าพันธะไดซัลไฟด์และปริมาณหมู่ไฮโดร โฟบิกบริเวณพื้นผิวเพิ่มขึ้นอย่างเด่นชัด สอดคล้องกับการลดลงของปริมาณหมู่ซัลฟ์ไฮดริลของแอกโตไมโอซินธรรมชาติเมื่อผ่านการให้ ความร้อน การเติมเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์ส่งผลให้เพิ่มการเชื่อมประสานของ แอกโตไมโอซินธรรมชาติจากสัตว์น้ำทั้ง 3 ชนิด ในขณะที่การดัดแปรสภาพแอกโตไมโอซินธรรม ชาติด้วยฟอร์มัลดีไฮด์ในสัตว์น้ำทั้ง 3 ชนิดส่งผลให้โปรตีนสูญเสียการละลาย ซึ่งสอดคล้องกับการ เชื่อมประสานของโปรตีนที่เพิ่มขึ้น การเติมเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์ สามารถช่วย ในการเชื่อมประสานของโปรตีนจากสัตว์น้ำทั้ง 3 ชนิด ดังนั้นการเติมเอนไซม์ทรานส์-กลูตามิเนส จากจุลินทรีย์สามารถเพิ่มการเชื่อมประสานของแอกโตไมโอซินธรรมชาติที่ผ่านการดัดแปรสภาพ ด้วยฟอร์มัลดีไฮด์ ในขณะที่การย่อยสลายของแอกโตไมโอซินธรรมชาติจากสัตว์น้ำทั้ง 3 ชนิด มี ผลยับยั้งการเชื่อมประสานของโปรตีนโดยเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนส แอกโตไมโอซินซึ่งมีระดับ ของการย่อยสลายร้อยละ 5-30 ไม่สามารถเกิดการเชื่อมประสานโดยเอนไซม์ทรานส์กลูตา-มิเนส จากจุลินทรีย์ ดังนั้นการดัดแปรสภาพโมเลกุลของแอกโตไมโอซินธรรมชาติ ส่งผลต่อกิจกรรมการ เชื่อมประสานของเอนไซม์ทรานส์กลูตามิเนสจากจุลินทรีย์ และการย่อยสลายของโปรตีนซึ่ง สัมพันธ์กับความยาวสายเปปไทด์มีบทบาทสำคัญต่อการเชื่อมประสานโดยเอนไซม์ ทรานส์กลูตามิ เนสจากจุลินทรีย์

Thesis Title<br>Effects of Microbial Transglutaminase on Gelling Property and Protein Cross-linking of Different Marine Fish and Shrimp<br>Author<br>Miss Atchara Tammatinna<br>Major Program<br>Academic Year<br>Food Technology<br>2006


#### Abstract

Effects of microbial transglutaminase (MTGase) at different levels on protein cross-linking and the properties of gels from white shrimp (Penaeus vannamei), bigeye snapper (Priacanthus teyanus) and lizardfish (Saurida undosquamis) mince set at $25^{\circ} \mathrm{C}$ for 2 h or $40^{\circ} \mathrm{C}$ for 30 min , prior to heating at $90^{\circ} \mathrm{C}$ for 20 min were studied. Breaking force of gels from all species increased with increasing MTGase amount added ( $\mathrm{p}<0.05$ ). However, no changes in deformation of white shrimp gel were noticeable ( $\mathrm{p}>0.05$ ). Generally, gels prepared by setting at $40^{\circ} \mathrm{C}$ exhibited the greater breaking force than those set at $25^{\circ} \mathrm{C}$. On the other hand, white shrimp gel with prior setting at medium temperature $\left(25^{\circ} \mathrm{C}\right.$ for 2 h$)$ prior to heating at $90^{\circ} \mathrm{C}$ for 20 min showed the higher breaking force than did that with prior setting at high temperature $\left(40^{\circ}\right.$ C for 30 min ) ( $\mathrm{p}<0.05$ ). Sodium dodecyl sulfate polyacrylamide gel electrophoretic study revealed that myosin heavy chain (MHC) underwent polymerization to a higher extent in the presence of MTGase, but the strengthening effect on gel was dependent on setting temperature. Regardless of setting condition, microstructure of gel added with MTGase was finer with a smaller void, compared with that of gel without MTGase. Therefore, setting temperature affected the property of gels added with MTGase.


Gel-forming ability of mince from all species stored in ice for different times and prepared under different setting with and without MTGase at level 0.6 units/g was elucidated. Breaking force and deformation of all gels decreased as the storage time of raw material increased ( $\mathrm{p}<0.05$ ). However, superior breaking force and deformation of gel added with MTGase to those without MTGase addition were observed irrespective of storage time. Expressible moisture content increased, whereas whiteness decreased with the extended storage ( p $<0.05$ ). During iced storge of 10 days, $\mathrm{Ca}^{2+}$-ATPase activity decreased, whereas $\mathrm{Mg}^{2+}$-EGTA-

ATPase activity increased. However, no marked changes in $\mathrm{Mg}^{2+}-\mathrm{Ca}^{2+}$ - ATPase and $\mathrm{Mg}^{2+}-$ ATPase activities were observed. Among all species tested, lizardfish muscle was most susceptible to those changes. Formaldehyde was produced to a higher extent in lizardfish, compared to other species. Therefore, storage time was found to be crucial factors determining the changes in physico-chemical properties and gel-forming ability of all species during iced storage, irrespective of MTGase addition.

Effect of MTGase in cross-linking of natural actomyosin (NAM) from all species subjected to preheating, formaldehyde modification and proteolysis was investigated. The increases in disulfide bonds and surface hydrophobicity with the concomitant decrease in sulfhydryl group content were found in preheated NAM. However, the addition of MTGase still increased the cross-linking of NAM from all species. NAM modified by formaldehyde from all species had the loss in protein solubility, which was associated with increased cross-linking of protein. MTGase was able to induce the cross-linking of NAM from all species, regardless of formaldehyde modification. Thus, cross-linking of NAM modified by formaldehyde was partially achieved by the addition of MTGase. However, hydrolysis of NAM substantially decreased the cross-linking induced by MTGase in all species. NAM with the degrees of hydrolysis of $5-30 \%$ was not cross-linked induced by MTGase. The results suggested that the modification of NAM molecules affected crosslinking activity of MTGase to some extent. Protein degradation associated with peptide chain length played a crucial role in cross-linking induced by MTGase.

