5 สรุป

1. เชื้อ *V. parahaemolyticus* สายพันธุ์ระบาดทั่วโลก *tdh*$^+$ *trh*$^-$ GS-PCR positive พบซีโรทัยป์ O3:K6 สูงสุด รองลงมาคือ O1:K25 และ O4:K68 ตามลำดับ พบ KUT เพียง 4.6% สายพันธุ์ *tdh*$^+$ *trh*$^+$ พบ O ซีโรทัยป์ที่ตรวจไม่พบในสายพันธุ์ระบาดทั่วโลก คือ O8 O11 และ O12 และพบ KUT สูงถึง 61.8%

2. เชื้อ *V. parahaemolyticus* ที่มียีน *trh* จำนวน 66 ไอโซเลต ทั้งหมดสร้างเอนไซม์ urease

3. เชื้อ *V. parahaemolyticus* ทุกไอโซเลตที่ทดสอบสามารถเจริญได้ในความเข้มข้นของโซเดียมคลอไรด์ตั้งแต่ 0.5-8% ความเข้มข้นซึ่งเห็นได้ด้วยตาเปล่าว่าเชื้อเจริญมากที่สุดคือหลอดที่มีความเข้มข้นของโซเดียมคลอไรด์ 3%

4. เชื้อ *V. parahaemolyticus* ทุกไอโซเลตที่ทดสอบพบว่าไม่มีความแตกต่างของการเคลื่อนที่ของเชื้อบนสารอาหารกึ่งแข็งที่เวลา 4 และ 6 ชม.

5. การทดสอบความไวของเชื้อ *V. parahaemolyticus* ต่อยาต้านจุลินทรีย์ พบว่าเชื้อทั้งสี่กลุ่มจะไวต่อยา azithromycin, chloramphenicol, norfloxacin และ tetracycline 100% แต่รูปแบบความไวต่อยา ampicillin, ciprofloxacin และ co-trimoxazole พบว่าเชื้อกลุ่ม *tdh*$^+$ *trh*$^-$ จะต่างจากอีกสามกลุ่ม โดย *tdh*$^+$ *trh*$^+$ จะให้ผลความไวต่อยาคล้ายกับกลุ่ม *tdh*$^-$ *trh*$^+$ และกลุ่ม *tdh*$^-$ *trh*$^-$ คือ ส่วนใหญ่จะไวต่อยา ciprofloxacin และ co-trimoxazole แต่ *tdh*$^+$ *trh*$^-$ ส่วนใหญ่จะดื้อต่อยา ciprofloxacin และ ดื้อต่อยา co-trimoxazole มากกว่าอีกสามกลุ่ม เกือบร้อยเปอร์เซ็นต์ของเชื้อ *V. parahaemolyticus* จะดื้อต่อยา ampicillin ยกเว้นสองไอโซเลตในกลุ่ม *tdh*$^-$ *trh*$^-$

6. 8 ใน 9 ไอโซเลต ซีโรทัยป์ O1:KUT สายพันธุ์ *tdh*$^+$*trh*$^+$ ที่แยกได้ในปี พ.ศ. 2545, 2546 และ 2548 จะให้ลายพิมพ์ดีเอ็นเอเหมือนกัน บางไอโซเลตที่มีซีโรทัยป์ต่างกันกลับให้ผลลายพิมพ์ดีเอ็นเอคล้ายกัน สายพันธุ์ *tdh*$^-$*trh*$^+$ พบว่าลายพิมพ์ดีเอ็นเอของทุกไอโซเลตไม่มีความคล้ายคลึงกันเลย

7. subgroup *trh1* จะพบมากในสายพันธุ์ *tdh*$^+$*trh*$^+$ (90.0%) และ subgroup *trh2* จะพบได้มากในสายพันธุ์ *tdh*$^-$ *trh*$^+$ (66.7%)