

ภาคผนวก ก
การเตรียมอาหารเลี้ยงเชื้อจุลินทรีย์

1. Yeast Malt medium (YM medium)

ประกอบด้วย

Yeast extract	3 กรัม
Malt extract	3 กรัม
Peptone	5 กรัม
Glucose	10 กรัม

นำส่วนผสมทั้งหมดมาละลายในน้ำกลั่นปริมาตร 1,000 มิลลิลิตร ถ้าเป็นอาหารแข็ง เติมผงวุ้นลงไป 20 กรัม จากนั้นนำไปฆ่าเชื้อในหม้อนึ่งความดันที่ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นระยะเวลา 15 นาที

2. Yeast extract-Peptone-Cassava medium (YPC medium)

ประกอบด้วย

Yeast extract	0.5 กรัม
Peptone	0.5 กรัม
แป้งมันสำปะหลัง	30 กรัม

นำส่วนผสมทั้งหมดมาละลายในน้ำกลั่นปริมาตร 1,000 มิลลิลิตร ถ้าเป็นอาหารแข็ง เติมผงวุ้นลงไป 20 กรัม จากนั้นนำไปฆ่าเชื้อในหม้อนึ่งความดันที่ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นระยะเวลา 15 นาที

ภาคผนวก ข
วิธีการวิเคราะห์

1. การวิเคราะห์หาปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์ตามวิธีการ Dinitrosalicylic colorimetric method ตามวิธีการของ Miller (1959)

สารเคมี

1. กรด 3,5-ไดไนโตรซาลิไซลิก (3,5-dinitrosalicylic acid; $C_7H_4N_2O_7$)
2. ฟีนอล (phenol; C_6H_5OH)
3. โซเดียมโพแทสเซียมทาร์เทรต (Rochelle salt; $KNaC_4H_4O_6 \cdot 4H_2O$)
4. โซเดียมซัลไฟต์ (Sodium sulfite; Na_2SO_3)
5. โซเดียมไฮดรอกไซด์ (Sodium hydroxide; $NaOH$)

วิธีการเตรียมสารละลายดีเอ็นเอส (DNS reagent)

ชั่งกรด 3,5-ไดไนโตรซาลิไซลิก 10 กรัม เติมลงในสารละลายโซเดียมไฮดรอกไซด์ 1 เปอร์เซ็นต์ ปริมาตร 250 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากันจนละลายหมด เติมสารโซเดียมโพแทสเซียมทาร์เทรต 200 กรัม ฟีนอล 2 กรัม และโซเดียมซัลไฟต์ 0.5 กรัม ผสมให้สารละลายเข้ากันหมด จากนั้นนำไปปรับปริมาตรสุดท้ายให้ได้ 1,000 มิลลิลิตร เก็บรักษาไว้ในขวดสีชาที่อุณหภูมิห้อง

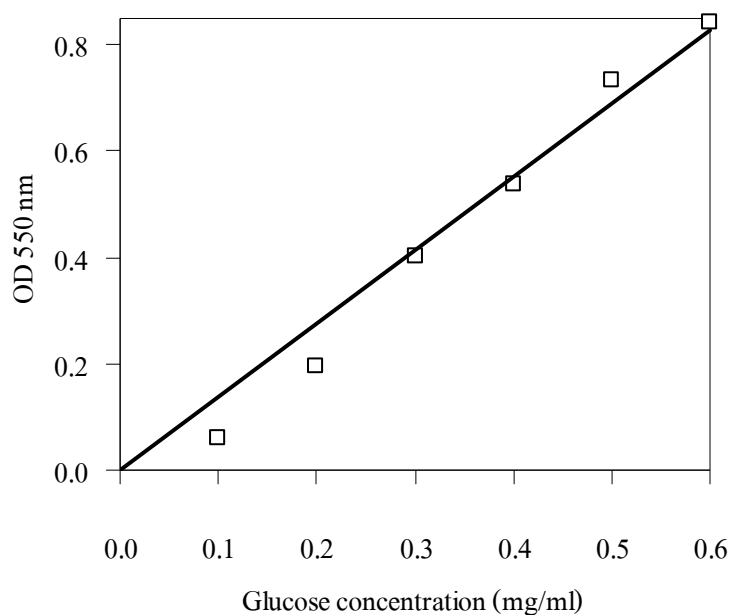
วิธีการวิเคราะห์

1.1 วิธีการเตรียมกราฟมาตรฐานของน้ำตาลกลูโคส

- ก. เตรียมสารละลายของน้ำตาลกลูโคสให้มีความเข้มข้น 0, 0.1, 0.2, 0.3, 0.4, 0.5 และ 0.6 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร
- ข. ปิเปิดสารละลายในข้อ ก. มาความเข้มข้นละ 1 มิลลิลิตร ลงในหลอดทดสอบ (blank ใช้ น้ำกลั่น 1.0 มิลลิลิตร แทน)
- ค. เติมสารละลายดีเอ็นเอสปริมาตร 3 มิลลิลิตร
- ง. นำไปต้มในน้ำเดือดเป็นระยะเวลา 5 นาที แล้วทำให้เย็นทันที
- จ. เติมน้ำกลั่น 6 มิลลิลิตร เขย่าให้เข้ากัน
- ฉ. นำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 550 นาโนเมตร
- ช. นำค่าที่ได้ไปเขียนกราฟมาตรฐาน แสดงความสัมพันธ์ระหว่าง ปริมาณน้ำตาลกลูโคส และค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 550 นาโนเมตร

1.2 วิธีการวิเคราะห์ตัวอย่าง

ปีเปตสารละลายตัวอย่างที่เจือจางได้เหมาะสม ปริมาตร 1 มิลลิลิตร ลงในหลอดทดลอง แล้วนำไปวิเคราะห์หาปริมาณน้ำตาลรีดิวซ์เช่นเดียวกับข้อ 1.1



ภาพที่ 30 กราฟมาตรฐานแสดงความสัมพันธ์ระหว่าง ปริมาณน้ำตาลกลูโคส และค่าการดูดกลืนแสง ที่ความยาวคลื่น 550 นาโนเมตร

Figure 30. Standard curve of glucose.

2. การวิเคราะห์หาปริมาณแป้งที่เหลืออยู่ ตามวิธีของ Pintado และคณะ (1999)

สารเคมี

1. ไอโอดีน (Iodine; I_2)
2. โพแทสเซียมไอโอไดด์ (Potassium iodide; KI)

วิธีการเตรียมสารละลายไอโอดีน (Iodine solution)

ชั่งโพแทสเซียม 30 กรัม ละลายในน้ำกลั่นปริมาตร 500 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน เติม ไอโอดีน 3 กรัม ผสมให้เข้ากัน จากนั้นนำไปปรับปริมาตรสุดท้ายให้ได้ 1,000 มิลลิลิตร เก็บรักษาไว้ในขวดสีชาที่อุณหภูมิห้อง นำไปเจือจางกับน้ำกลั่นในอัตราส่วน 4:100 ก่อนใช้

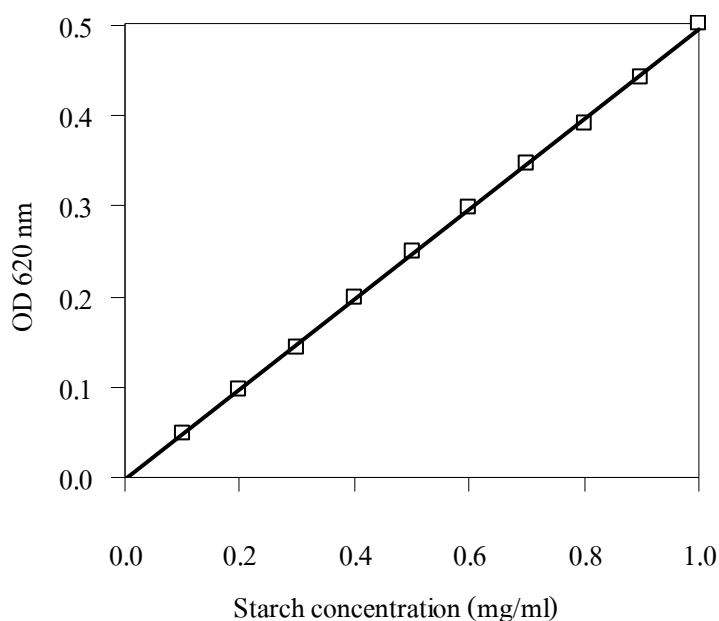
วิธีการวิเคราะห์

2.1 วิธีการเตรียมกราฟมาตรฐานของแป้ง

- ก. เตรียมสารละลายแป้งให้มีความเข้มข้น 0, 0.1, 0.2, 0.3, 0.4, 0.5, 0.6, 0.7, 0.8, 0.9 และ 1.0 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร
- ข. ปิเปตสารละลายในข้อ ก. มาความเข้มข้นละ 0.1 มิลลิลิตร ลงในหลอดทดลอง (blank ใช้น้ำกลั่น 0.1 มิลลิลิตร แทน)
- ค. เติมน้ำกลั่นไอโอดีนปริมาตร 2.4 มิลลิลิตร เขย่าให้เข้ากัน
- ง. นำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 620 นาโนเมตร
- จ. นำค่าที่ได้ไปเขียนกราฟมาตรฐาน แสดงความสัมพันธ์ระหว่าง ปริมาณแป้ง และ ค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 620 นาโนเมตร

2.2 วิธีการวิเคราะห์ตัวอย่าง

ปิเปตสารละลายตัวอย่างที่เจือจางได้เหมาะสม ปริมาตร 0.1 มิลลิลิตร ลงในหลอดทดลอง แล้วนำไปวิเคราะห์หาปริมาณแป้งเช่นเดียวกับข้อ 2.1



ภาพที่ 31 กราฟมาตรฐานแสดงความสัมพันธ์ระหว่างปริมาณแป้ง และค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 620 นาโนเมตร

Figure 31. Standard curve of starch.

3. การวิเคราะห์หาปริมาณโปรตีนตามวิธีของ Lowry และคณะ (1951)

สารเคมี

1. โซเดียมคาร์บอเนต (Sodium carbonate; Na_2CO_3)
2. คอปเปอร์ซัลเฟต (Copper sulfate; $\text{CuSO}_4 \cdot 5\text{H}_2\text{O}$)
3. โซเดียมโพแทสเซียมทาร์เทรต (Rochelle salt; $\text{KNaC}_4\text{H}_4\text{O}_6 \cdot 4\text{H}_2\text{O}$)
4. โซเดียมไฮดรอกไซด์ (Sodium hydroxide; NaOH)
5. โฟลินฟีนอลรีเอเจนต์ (Folin-Ciocateu's phenol reagent)
6. โบวีนซีรัมอัลบูมิน (Bovine serum albumin; BSA)

วิธีการเตรียมสารเคมี

1. เตรียมสารละลายโซเดียมคาร์บอเนต 2 เปอร์เซ็นต์ในสารละลายโซเดียมไฮดรอกไซด์ 0.1 นอร์มอล
2. เตรียมสารละลายคอปเปอร์ซัลเฟต 0.5 เปอร์เซ็นต์ในสารละลายโซเดียมโพแทสเซียมทาร์เทรต 1.0 เปอร์เซ็นต์
3. เตรียมสารละลาย alkali copper โดยผสมสารละลายในข้อ 1. 50 มิลลิลิตร กับสารละลายในข้อ 2. 1 มิลลิลิตร (เตรียมก่อนใช้)
4. เตรียมสารละลาย Folin-Ciocateu's reagent โดยเจือจางโฟลินฟีนอลรีเอเจนต์กับน้ำกลั่นอัตราส่วน 1:1 (เตรียมก่อนใช้)

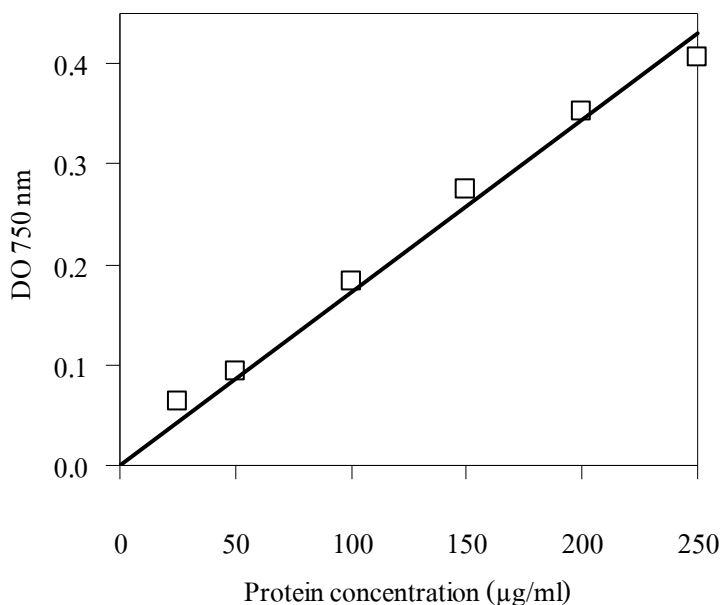
วิธีการวิเคราะห์

3.1 วิธีการเตรียมกราฟมาตรฐานของโปรตีน

- ก. เตรียมสารละลาย Bovine serum albumin ให้มีความเข้มข้น 0, 50, 100, 150, 200 และ 250 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร
- ข. ปิเปตสารละลายในข้อ ก. มาความเข้มข้นละ 0.5 มิลลิลิตร ลงในหลอดทดลอง (blank ใช้น้ำกลั่น 0.5 มิลลิลิตร แทน)
- ค. เติมสารละลาย alkali copper ปริมาตร 3.0 มิลลิลิตร เขย่าให้เข้ากัน ทิ้งไว้ 10 นาที ที่อุณหภูมิห้อง
- ง. เติมสารละลาย Folin-Ciocateu's reagent ปริมาตร 0.3 มิลลิลิตร เขย่าให้เข้ากัน ทิ้งไว้ 30 นาที ที่อุณหภูมิห้อง
- จ. นำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 750 นาโนเมตร
- ฉ. นำค่าที่ได้ไปเขียนกราฟมาตรฐาน แสดงความสัมพันธ์ระหว่าง ปริมาณ โปรตีน และค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 750 นาโนเมตร

3.2 วิธีการวิเคราะห์ตัวอย่าง

ปีเปตสารละลายตัวอย่างที่เจือจางได้เหมาะสม ปริมาตร 0.5 มิลลิลิตร ลงในหลอดทดลอง แล้วนำไปวิเคราะห์หาปริมาณโปรตีนเช่นเดียวกับข้อ 3.1



ภาพที่ 32 กราฟมาตรฐานแสดงความสัมพันธ์ระหว่าง ปริมาณ โปรตีน และค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 750 นาโนเมตร

Figure 32. Standard curve of protein.

4. การวิเคราะห์หาปริมาณแอลกอฮอล์โดยใช้เครื่องวัดแอลกอฮอล์ (Ebulliometer) ตามวิธีของ Zoeklein และคณะ (1995)

Ebulliometer เป็นเครื่องมือที่ใช้หาปริมาณแอลกอฮอล์โดยการหาจุดเดือดแล้วเปิดเทียบกับแผ่นสเกลไว้สำหรับอ่านค่าอุณหภูมิและเปอร์เซ็นต์แอลกอฮอล์ (DUJARDIN-SALLERON scale) เครื่องมือประกอบด้วยโลหะทรงกระบอก 2 ส่วนคือ ส่วน A และ B ต่อกัน ทรงกระบอกส่วน A จะเป็นที่บรรจุสารละลายที่ต้องการหาปริมาณแอลกอฮอล์ โดยบรรจุสารละลายที่ต้องการวัดลงในช่อง C และเสียบเทอร์โมมิเตอร์ปิดไว้ สำหรับอ่านค่าอุณหภูมิ ใส่น้ำสำหรับหล่อเย็นลงในช่อง D จากนั้นสวมต่อทรงกระบอก A และ B ตรงช่อง E ส่วน F เป็นที่ใช้สำหรับเปิดถ่ายสารละลายออก และท่อ G เป็นตำแหน่งสำหรับรวมเปลวไฟจากตะเกียง แสดงในรูปภาพที่ 33

อุปกรณ์

1. เครื่องวัดปริมาณแอลกอฮอล์ (ebulliometer) ยี่ห้อ DUJARDIN-SALLERON ประเทศฝรั่งเศส

2. แผ่นสเกลไว้สำหรับอ่านค่าอุณหภูมิและเปอร์เซ็นต์แอลกอฮอล์ (DUJARDIN-SALLERON scale)

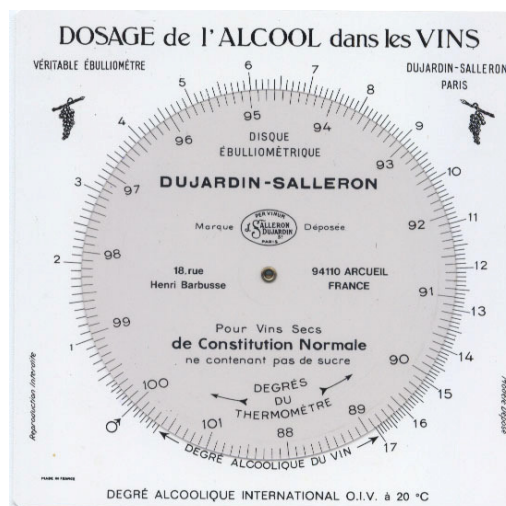
วิธีการวิเคราะห์

4.1 การหาจุดเดือดของน้ำกลั่น

- ก. เติมน้ำกลั่นปริมาตร 30 มิลลิลิตร ลงในช่อง C และเสียบเทอร์โมมิเตอร์ปิดไว้
- ข. เติมน้ำล่อเย็นลงในช่อง D จากนั้นสวมต่อทรงกระบอก A และ B ตรงช่อง E
- ค. จุดตะเกียงแล้ววางไว้ใต้ท่อ G
- ง. เมื่อน้ำเดือดแล้วอ่านค่าอุณหภูมิที่คงที่ (คงที่ประมาณ 15-30 วินาที)
- จ. นำค่าของอุณหภูมิที่ได้ไปปรับสเกล โดยให้ขีดศูนย์ของสเกลวงนอกตรงกับค่าอุณหภูมิจุดเดือดของน้ำกลั่น

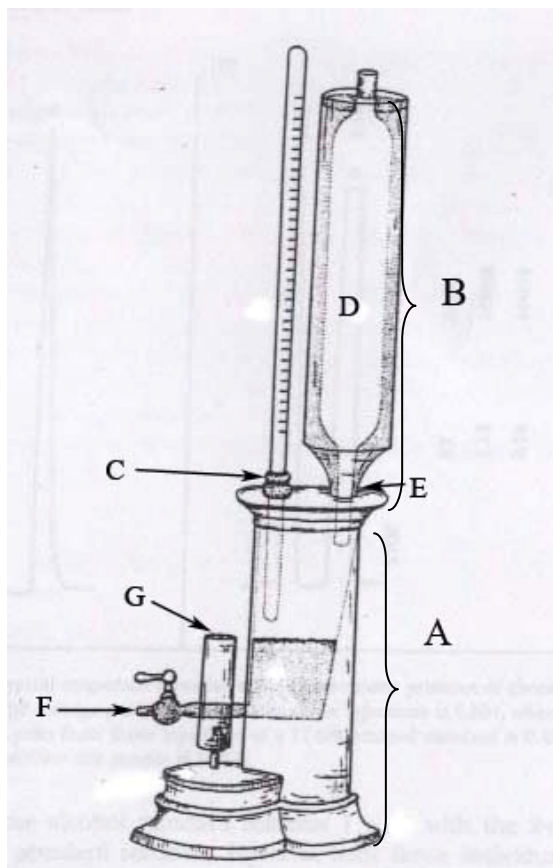
4.2 การหาจุดเดือดของตัวอย่าง

เติมน้ำกลั่นตัวอย่างปริมาตร 50 มิลลิลิตร ลงในช่อง C และเสียบเทอร์โมมิเตอร์ปิดไว้ จากนั้นนำไปวิเคราะห์เช่นเดียวกับข้อ 4.1 ตั้งแต่ข้อ ข. ถึง ง. การอ่านค่าปริมาณแอลกอฮอล์อ่านค่าปริมาณแอลกอฮอล์จากสเกลวงนอกที่ตรงกับค่าอุณหภูมิจุดเดือดของสารละลายตัวอย่างที่ได้หน่วยของปริมาณแอลกอฮอล์ที่ได้คือ เปอร์เซ็นต์ ปริมาตรต่อปริมาตร



ภาพที่ 33 แผ่นสเกลไว้สำหรับอ่านค่าอุณหภูมิและเปอร์เซ็นต์แอลกอฮอล์

Figure 33. DUJARDIN-SALLERON scale.



ภาพที่ 34 เครื่องวัดปริมาณแอลกอฮอล์

Figure 34. Ebulliometer.

5. การหาปริมาณเอทานอลโดยเทคนิคแก๊สโครมาโตกราฟี (Gas Chromatography-Flame ionization detector; GC-FID)

อุปกรณ์

1. เครื่องแก๊สโครมาโตกราฟี (Gas Chromatography-Flame ionization detector; GC-FID)
ยี่ห้อ HEWLETT PACKARD รุ่น HP 6850

สารเคมี

1. อะซิโตน (acetone; CH_3COCH_3)
2. เอทานอลบริสุทธิ์ (absolute alcohol; $\text{C}_2\text{H}_5\text{OH}$)

วิธีการวิเคราะห์

5.1 วิธีการเตรียมกราฟมาตรฐานของเอทานอล

- ก. เตรียมสารละลายเอทานอลให้มีความเข้มข้น 0, 2, 4, 6, 8 และ 10 กรัมต่อลิตร

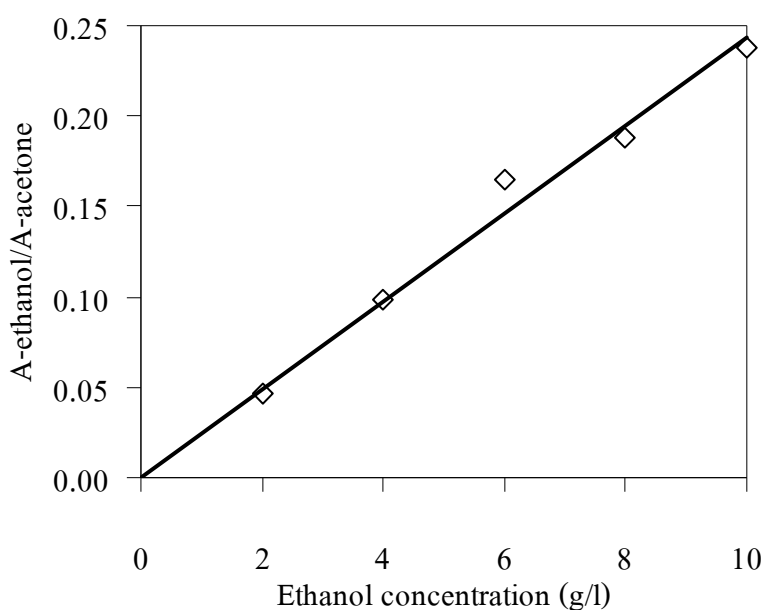
- ข. ปิเปตสารในข้อ ก. มาความเข้มข้นละ 1 มิลลิลิตร ลงในหลอดทดลองคักก๊าซ
 ค. เติมสารละลายอะซิโตนลงไป 50 ไมโครลิตร
 ง. นำตัวอย่างที่ได้ไปฉีดเข้าเครื่องแก๊สโครมาโตกราฟีปริมาตร 1 ไมโครลิตร โดย
 สภาวะของเครื่องคือ

Packing material	: polyethylene glycol (HP 19091N-133E INNOWAX)
Column size	: เส้นผ่าศูนย์กลาง 0.25 มิลลิเมตร ยาว 30 เมตร
Column temperature	: 50 องศาเซลเซียส
Injection temperature	: 200 องศาเซลเซียส
Detector	: flame ionized detector (FID)
Carrier gas, flow rate	: ฮีเลียม (Helium), 20 มิลลิลิตรต่อนาที

- จ. นำค่าที่ได้ไปหาอัตราส่วนของพื้นที่ใต้กราฟเอทานอลต่อพื้นที่ใต้กราฟของอะซิโตน จากนั้นนำไปเขียนกราฟมาตรฐาน แสดงความสัมพันธ์ระหว่างปริมาณเอทานอล และอัตราส่วนของพื้นที่ใต้กราฟเอทานอลต่อพื้นที่ใต้กราฟของอะซิโตน

5.2 วิธีการวิเคราะห์ตัวอย่าง

ปิเปตสารละลายตัวอย่างที่เหมาะสม ปริมาตร 1 มิลลิลิตร ลงในหลอดทดลองคักก๊าซ แล้วนำไปวิเคราะห์หาปริมาณเอทานอลเช่นเดียวกับข้อ 5.1



ภาพที่ 35 กราฟมาตรฐานแสดงความสัมพันธ์ระหว่างปริมาณเอทานอล และอัตราส่วนของพื้นที่ใต้กราฟเอทานอลต่อพื้นที่ใต้กราฟของอะซิโตน

Figure 35. Standard curves of ethanol

6. การวิเคราะห์หาผลผลิตที่ได้จากย่อยแป้งมันสำปะหลังโดยวิธีทินเลเยอร์โครมาโตกราฟี (Thin layer chromatography; TLC) ตามวิธีของ Yang และคณะ (2004)

อุปกรณ์

1. แผ่นทินเลเยอร์โครมาโตกราฟีอะลูมิเนียม (Thin layer chromatography aluminium sheet) ชนิด silica gel 60 F₂₅₄ ขนาด 20x20 cm หนา 0.2 mm ของบริษัท MERCK จากประเทศเยอรมัน
2. ทินเลเยอร์โครมาโตกราฟีแชมเบอร์ (Thin layer chromatography aluminium chamber)

สารเคมี

1. สารละลายไอโซโพรพิลแอลกอฮอล์ (isoproyl alcohol)
2. สารละลายเอทิลอะซิเตต (ethyl acetate)
3. กรดซัลฟูริก (sulfuric acid; H₂SO₄)
4. สาร N-(1-naphthyl)-ethylenediamine
5. สารละลายเมทานอล (methanol)

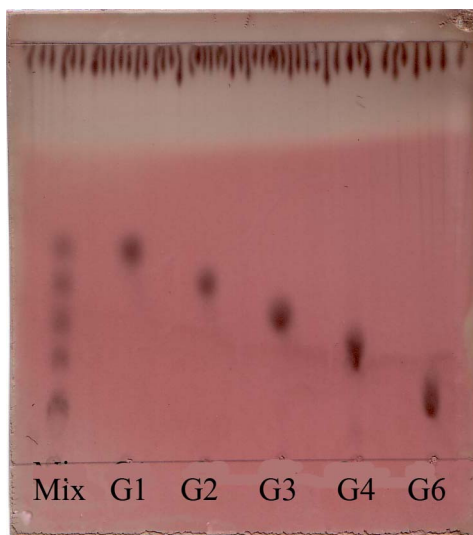
วิธีการเตรียมสารเคมี

1. สารละลายชนิดที่ 1 (ตัวเคลื่อนที่) โดยผสมสารละลายระหว่าง ไอโซโพรพิลแอลกอฮอล์ : เอทิลอะซิเตต : น้ำกลั่น อัตราส่วน 3 : 1 : 1
2. สารละลายชนิดที่ 2 (ตัวตรวจวิเคราะห์) โดยชั่งสาร N-(1-naphthyl)-ethylenediamine มา 0.3 กรัม ละลายในสารละลายกรดซัลฟูริก 5 เปอร์เซ็นต์ ในเมทานอล ปริมาตร 100 มิลลิลิตร

วิธีการวิเคราะห์

- ก. หยดสารละลายตัวอย่างลงบนแผ่นทินเลเยอร์โครมาโตกราฟีอะลูมิเนียม แล้วนำมาเป่าให้แห้ง
- ข. นำแผ่นทินเลเยอร์โครมาโตกราฟีอะลูมิเนียมที่ได้ไปแช่ในทินเลเยอร์โครมาโตกราฟีแชมเบอร์ ที่มีสารละลายชนิดที่ 1
- ค. ทิ้งไว้จนสารละลายเคลื่อนที่ไปบนแผ่นทินเลเยอร์โครมาโตกราฟีอะลูมิเนียมจนถึงระยะที่ประมาณ 1/3 จึงนำแผ่นทินเลเยอร์โครมาโตกราฟีอะลูมิเนียมออก แล้วนำมาเป่าให้แห้ง
- ง. นำแผ่นทินเลเยอร์โครมาโตกราฟีอะลูมิเนียมที่ได้ไปจุ่มลงในสารละลายชนิดที่ 2 จากนั้นนำมาเป่าให้แห้ง

- จ. นำไปให้ความร้อน จะเห็นตำแหน่งของสารบนแผ่นทินเลเยอร์โครมาโตกราฟี อะลูมิเนียม



ภาพที่ 36 การวิเคราะห์หาผลผลิตที่ได้จากย่อยแป้งมันสำปะหลังโดยวิธีทินเลเยอร์โครมาโตกราฟี สารละลายเคลื่อนที่ประกอบด้วย ไอโซโพรพิลแอลกอฮอล์ : เอทิลอะซิเตต : น้ำกลั่น อัตราส่วน 3 : 1 : 1 และสารละลายที่ใช้ตรวจวิเคราะห์ประกอบด้วย *N*-(1-naphthyl)-ethylenediamine มา 0.3 กรัม ละลายในสารละลายกรดซัลฟูริก 5 เปอร์เซ็นต์ ในเมทานอล ปริมาตร 100 มิลลิลิตร โดยใช้น้ำตาลกลูโคสและอนุพันธ์ของน้ำตาลมอลโตสเป็นน้ำตาลมาตรฐาน (น้ำตาลกลูโคส : G1, น้ำตาลมอลโตส : G2, น้ำตาลมอลโตไตรโอส : G3, น้ำตาลมอลโตเตตราโอส : G4 และน้ำตาลมอลโตเฮกซาโอส : G6)

Figure 36. Thin-layer chromatographic analysis. The solvent system contained isopropyl alcohol-ethyl acetate-water (3:1:1, vol/vol/vol) and dipping reagent contained 0.3% (wt/vol) *N*-(1-naphthyl)-ethylenediamine and 5% (vol/vol) H_2SO_4 in methanol. A mixture of glucose and maltooligosaccharides was used as standards: glucose (G1), maltose (G2), maltotriose (G3), maltotetraose (G4) and maltohexaose (G6).

ภาคผนวก ก

วิธีการคำนวณประสิทธิภาพการย่อยแป้งมันสำปะหลัง

1. วิธีการคำนวณประสิทธิภาพการย่อยแป้งมันสำปะหลังบนอาหารแข็ง

$$\text{ประสิทธิภาพของการย่อยแป้ง} = \frac{\text{ขนาดของบริเวณวงใส (เซนติเมตร)}}{\text{ขนาดของโคโลนี (เซนติเมตร)}}$$

2. วิธีการคำนวณประสิทธิภาพการย่อยแป้งมันสำปะหลังในอาหารเหลว

ตามทฤษฎีการเปลี่ยนแป้งให้เป็นน้ำตาล แป้ง 90 กรัม จะถูกเปลี่ยนน้ำตาลกลูโคส 100 กรัม
ดังนั้น

$$\begin{array}{ll} \text{จากแป้ง 90 กรัม} & \text{ย่อยสลายได้น้ำตาลกลูโคส 100 กรัม} \\ \text{ถ้ามีแป้ง 50 กรัม} & \text{จะได้ปริมาณน้ำตาลกลูโคส เท่ากับ } \frac{50 \times 100}{90} = 55.55 \text{ กรัม} \end{array}$$

เพราะฉะนั้นถ้ามีแป้ง 50 กรัม จะได้ปริมาณน้ำตาลกลูโคสเท่ากับ 55.55 กรัม ตามทฤษฎี

ในการคำนวณหาประสิทธิภาพการย่อยสลายแป้งมันสำปะหลังใช้สมการดังนี้

$$\begin{array}{l} \text{ประสิทธิภาพของการย่อยแป้ง} \\ \text{(เปอร์เซ็นต์ของค่าทางทฤษฎี)} \end{array} = \frac{\text{ปริมาณน้ำตาลกลูโคสที่วัดได้ (กรัม) x 100}}{\text{ปริมาณน้ำตาลกลูโคสที่ได้ตามทฤษฎี (กรัม)}}$$

ภาคผนวก ง

วิธีการคำนวณประสิทธิภาพการผลิตเอทานอล

ตามทฤษฎีการเปลี่ยนแป้งให้เป็นเอทานอล แป้ง 90 กรัม จะถูกเปลี่ยนน้ำตาลกลูโคส 100 กรัม จากนั้นเชื้อยีสต์จะเปลี่ยนน้ำตาลกลูโคสเป็นแอลกอฮอล์ 51.1 กรัม และก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์ 48.9 กรัม

1. การคำนวณประสิทธิภาพการผลิตเอทานอลจากน้ำตาลกลูโคส

จากน้ำตาล 100 กรัม จะถูกเปลี่ยนเป็นเอทานอล 51.1 กรัม

ถ้ามีน้ำตาล 18 กรัม จะได้ปริมาณเอทานอล เท่ากับ $\frac{18 \times 51.1}{100} = 9.20$ กรัม

เพราะฉะนั้นถ้ามีน้ำตาล 18 กรัม จะได้ปริมาณเอทานอลเท่ากับ 9.2 กรัม ตามทฤษฎี

ในการคำนวณหาประสิทธิภาพการผลิตเอทานอลจากน้ำตาลกลูโคสใช้สมการดังนี้

$$\text{ประสิทธิภาพของการผลิตเอทานอล (เปอร์เซ็นต์ของค่าทางทฤษฎี)} = \frac{\text{ปริมาณเอทานอลที่วัดได้ (กรัม) x 100}{\text{ปริมาณเอทานอลที่ได้ตามทฤษฎี (กรัม)}}$$

2. การคำนวณประสิทธิภาพการผลิตเอทานอลจากแป้ง

จากแป้ง 90 กรัม จะถูกเปลี่ยนเป็นเอทานอล 51.1 กรัม

ถ้ามีแป้ง 50 กรัม จะได้ปริมาณเอทานอล เท่ากับ $\frac{50 \times 51.1}{90} = 28.39$ กรัม

เพราะฉะนั้นถ้ามีแป้ง 50 กรัม จะได้ปริมาณเอทานอลเท่ากับ 28.39 กรัม ตามทฤษฎี

ในการคำนวณหาประสิทธิภาพการผลิตเอทานอลจากแป้งใช้สมการดังนี้

$$\text{ประสิทธิภาพของการผลิตเอทานอล (เปอร์เซ็นต์ของค่าทางทฤษฎี)} = \frac{\text{ปริมาณเอทานอลที่วัดได้ (กรัม) x 100}{\text{ปริมาณเอทานอลที่ได้ตามทฤษฎี (กรัม)}}$$

ภาคผนวก จ

ผลการพิสูจน์เชื้อยีสต์ในระดับสปีชีส์ โดยการทำ DNA sequencing 26S 500 basepair

3. ผลการพิสูจน์เชื้อยีสต์ในระดับสปีชีส์ของเชื้อยีสต์สายพันธุ์ YCY1

```

gi|66274430|dbj|AB195270.1| Saccharomycopsis fibuligera gene for 26S rRNA,
partial sequence
Length=567

Score = 878 bits (443), Expect = 0.0
Identities = 504/519 (97%), Gaps = 5/519 (0%)
Strand=Plus/Plus

Query 17 AACGGCGAGTGAAGCGGCAAAAGCTCAAATTTGAAAGCTAGCACCTTCGGTGTTCGCGTT 76
      |||
Sbjct 25 AACGGCGAGTGAAGCGGCAAAAGCTCAAATTTGAAAGCTAGCACCTTCGGTGTTCGCGTT 84

Query 77 GTAATTTGAAGATAGTTTCCTTGAGTAGTCCTTTATCTATGTTTCCTTGGAAACAGGACGTC 136
      |||
Sbjct 85 GTAATTTGAAGATAGTTTCCTTGAGTAGTCCTTTATCTATGTTTCCTTGGAAACAGGACGTC 144

Query 137 ATAGAGGGTGAGAACCCCGTATGATTTGGATACTACTCTTTGTGGGATTCTATCGAAGA 196
      |||
Sbjct 145 ATAGAGGGTGAGAACCCCGTATGATTTGGATACTACTCTTTGTGGGATTCTATCGAAGA 204

Query 197 GTCGAGTTGTTTGGGAATGCAGCTCTAAGTGGGTGGTAAATCCATCTAAAGCTAAATAT 256
      |||
Sbjct 205 GTCGAGTTGTTTGGGAATGCAGCTCTAAGTGGGTGGTAAATCCATCTAAAGCTAAATAT 264

Query 257 TGGCGAGAGACCGATAGCGAACCAAGTACAGTGATGGAAAGATGAAAAGAACTCTGAAGAG 316
      |||
Sbjct 265 TGGCGAGAGACCGATAGCGAACCAAGTACAGTGATGGAAAGATGAAAAGAACTCTGAAGAG 324

Query 317 AGAGTGAAAAAGTACGTGAAATTGCTGAAAGGGAAGGGCTTGAGGTCAGACTTGGTGTTT 376
      |||
Sbjct 325 AGAGTGAAAAAGTACGTGAAATTGCTGAAAGGGAAGGGCTTGAGGTCAGACTTGGTGTTT 384

Query 377 AATGATTATCAGTTCTTCTTGGNACTGTGCACTCGTTTTTACCAGGGGCAATATCAGTT 436
      |||
Sbjct 385 AATGATTATCAGTTCTTCTTGG-ACTGTGCACTCGTTTTTACC-AGGCAATATCAGTT 442

Query 437 TTANCCGCTAAAATANCCCTTGAANTGTGGCTTCCTTCGGGGAGTGTTAAAAATCTTGG 496
      |||
Sbjct 443 TTAG-CGGTAGAGTACCCCTT-GAAATGTGGCTTCCTTCGGGGAGTGTT-ATAGTCTTGG 499

Query 497 GGANATCTACTTGCTGGGACTGAGGACTGCCCTTCGGCA 535
      |||
Sbjct 500 GGAGATCTACTTGCTGGGACTGAGGACTGCGCTTCGGCA 538

```

4. ผลการพิสูจน์เชื้อยีสต์ในระดับสปีชีส์ของเชื้อยีสต์สายพันธุ์ YTB3

```

gi|15429071|gb|AF330115.1| Pichia anomala strain VKM Y-140 26S large subunit
ribosomal RNA gene, partial sequence
Length=573

Score = 1021 bits (515), Expect = 0.0
Identities = 529/531 (99%), Gaps = 2/531 (0%)
Strand=Plus/Plus

Query 1 TAACGGCGAAGTGAAGCGGCCAAAAGCTCAAATTTGAAATCTAGCACCTTCGGTGTTCGA 60
      |||
Sbjct 23 TAACGGCGA-GTGAAGCGGC-AAAAGCTCAAATTTGAAATCTAGCACCTTCGGTGTTCGA 80

Query 61 GTTGTAAATTTGAAGATGGTAACCTTGGGTTTGGCTCTTGTCTATGTTTCCTTGGAAACAGGA 120
      |||
Sbjct 81 GTTGTAAATTTGAAGATGGTAACCTTGGGTTTGGCTCTTGTCTATGTTTCCTTGGAAACAGGA 140

Query 121 CGTCATAGAGGGTGAGAATCCCCTCTGATGAGATGCCATTCCCTATGTAAGGTGCTATCG 180
      |||
Sbjct 141 CGTCATAGAGGGTGAGAATCCCCTCTGATGAGATGCCATTCCCTATGTAAGGTGCTATCG 200

Query 181 AAGAGTCGAGTTGTTTGGGAATGCAGCTCTAAGTGGGTGGTAAATTCATCTAAAGCTAA 240
      |||
Sbjct 201 AAGAGTCGAGTTGTTTGGGAATGCAGCTCTAAGTGGGTGGTAAATTCATCTAAAGCTAA 260

Query 241 ATATTGGCGAGAGACCGATAGCGAACAGTACAGTGATGGAAAGATGAAAAGAACCTTGA 300
      |||
Sbjct 261 ATATTGGCGAGAGACCGATAGCGAACAGTACAGTGATGGAAAGATGAAAAGAACCTTGA 320

Query 301 AAAGAGAGTGAAAAAGTACGTGAAATTGTTGAAAGGAAGGCATTAGATCAGACTTGGT 360
      |||
Sbjct 321 AAAGAGAGTGAAAAAGTACGTGAAATTGTTGAAAGGAAGGCATTAGATCAGACTTGGT 380

Query 361 GTTTTACGATTATCTTCTTCTTGGAGTTGTGCACTCGTATTTCACTGGGCCAGCATCGA 420
      |||
Sbjct 381 GTTTTACGATTATCTTCTTCTTGGAGTTGTGCACTCGTATTTCACTGGGCCAGCATCGA 440

Query 421 TTCGGATGGCAAGATAATGGCAGTTGAATGTGGCTTCACTTCGGTGGAGTGTATAGCTT 480
      |||
Sbjct 441 TTCGGATGGCAAGATAATGGCAGTTGAATGTGGCTTCACTTCGGTGGAGTGTATAGCTT 500

Query 481 CTGCTGATATTGCCTGTCTGGATCGAGGCTGCGTCTTTTACTAGGATGC 531
      |||
Sbjct 501 CTGCTGATATTGCCTGTCTGGATCGAGGCTGCGTCTTTTACTAGGATGC 551

```

ประวัติผู้เขียน

ชื่อ สกุล	นายไกรยศ แซ่ลิ่ม	
รหัสประจำตัวนักศึกษา	4782004	
วุฒิการศึกษา		
วุฒิ	ชื่อสถาบัน	ปีที่สำเร็จการศึกษา
วิทยาศาสตรบัณฑิต (เทคโนโลยีชีวภาพ)	มหาวิทยาลัยสงขลานครินทร์	2546

ทุนการศึกษา (ที่ได้รับในระหว่างการศึกษา)

- ทุนอุตสาหกรรมเกษตรสู่ความเป็นเลิศ จากคณะอุตสาหกรรมเกษตร มหาวิทยาลัยสงขลานครินทร์ ปีการศึกษา 2547

การตีพิมพ์เผยแพร่ผลงาน

Krairot Saelim, Yaowaluk Dissara and Aran H-Kittikun. 2006. Production from cassava starch by yeasts isolated from Loog-Pang (rice cake starter). Program & Abstracts of the 18th Annual Meeting of the Thai Society for Biotechnology “Biotechnology: Benefits&Bioethics”, Thailand, 2-3 November, 2006. pp. 195.