



รายงานวิจัยฉบับสมบูรณ์

เรื่อง

พันธุศาสตร์เชลล์ และพันธุศาสตร์โมเลกุลของเลียงพาในประเทศไทย

Cytogenetics and Molecular Genetics in Serow
(Capricornis sumatraensis) of Thailand

ผู้ร่วมโครงการวิจัย
ว่าที่ร้อยตรีสิทธิศักดิ์ จันทรัตน์
นางสาวไอลรัตน์ พรวิรุพห์
นายสมศักดิ์ บัวทิพย์

แผนกวิชาชีววิทยา ภาควิชาชีววิทยาศาสตร์
คณะวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี
มหาวิทยาลัยสงขลานครินทร์ วิทยาเขตปัตตานี

ได้รับทุนการสนับสนุนการวิจัยจาก
ทุนอุดหนุนการวิจัยประเภททั่วไป กองทุนวิจัยวิทยาศาสตร์ปัตตานี
ประจำปีงบประมาณ 2555

พันธุศาสตร์เซลล์ และพันธุศาสตร์โมเลกุลของเลียงพาในประเทศไทย

บทคัดย่อ

แคริโอล์ปะโนโชนและอิดิโอล์แกร์มมาตรฐานของเลียงพา (*Capricornis sumatraensis*) ด้วยเทคนิคการข้อมูลโครงสร้างแบบบอร์ดและการจำแนกแบบจี นิวัติคุณภาพสูงเพื่อศึกษาโครงสร้างโมเลกุลของแคริโอล์ปะโนโชนและอิดิโอล์แกร์มมาตรฐานของเลียงพา (*Capricornis sumatraensis*) ในประเทศไทย ใช้ตัวอย่างเลียงพา เพศผู้จำนวน 3 ตัว และเพศเมียจำนวน 3 ตัว จากสถานีเพาะเลี้ยงสัตว์ป่าพังงา จังหวัดพังงา เตรียมโครงสร้างโดยวิธีเพาะเลี้ยงเซลล์เม็ดเลือดขาว เก็บเกี่ยวเซลล์ด้วยเทคนิคโคลซิชิน-ไฮโพโนนิก-ฟิกเซชั่น-แอร์ครายอิง ข้อมูลโครงสร้างแบบบอร์ดและการจำแนกโดยการศึกษาพบว่า เลียงพามีจำนวนโครงสร้างคู่พอดี ($2n$) เท่ากับ 48 แท่ง ($24 \text{ } \mu\text{m}$) ประกอบด้วยโครงสร้างร่างกายชนิดเมทาเซนทริกขนาดใหญ่ 1 μm ชั้บเมทาเซนทริกขนาดใหญ่ 2 μm อะโครเซนทริกขนาดใหญ่ 1 μm เทโลเซนทริกขนาดกลาง 1 μm ชั้บเมทาเซนทริกขนาดเล็ก 2 μm และเทโลเซนทริกขนาดเล็ก 16 μm โครงสร้างเพ้ออกร์และวางเป็นชนิดเทโลเซนทริกขนาดเล็ก มีจำนวนโครงสร้างพื้นฐานเท่ากับ 60 การข้อมูลโครงสร้างแบบบอร์ดมีจำนวน 149 และ การเพิ่มจำนวนคู่อีนเอโดยเทคนิคพีซีอาร์ด้วยไอเอสเอสอาร์ ไฟรเมอร์ ได้ແຄນดีอีนเอทั้งหมด 143 ແຄນ มีขนาดของແຄນคู่อีนเออยู่ระหว่าง 300-1200 μm บีส ค่าบรรณาความแตกต่างทางพันธุกรรม มีค่าระหว่าง 0.06 ถึง 0.13 ค่าเฉลี่ยเท่ากับ 0.10 คิดเป็นค่าบรรณาความเหมือนเท่ากับ 90 ເປືອຣ໌ເຊີນດໍ

คำหลัก : แคริโอล์ปะโนโชน อิดิโอล์แกร์ม ไอเอสเอสอาร์ เลียงพา

Cytogenetics and Molecular Genetics in Serow (*Capricornis sumatraensis*) of Thailand

Abstract

To study the chromosome of Sumatra serow (*Capricornis sumatraensis*) in Thailand, karyotyping was performed by conventional staining and G-banding. Blood samples were taken from 3 male and 3 female Sumatra serows at Phang Nga Wildlife Breeding Center and subjected to standard lymphocyte culture techniques. The cultured cells were processed by colchicine-hypotonic-fixation-air-drying technique followed by conventional staining. The results showed that the diploid chromosome number ($2n$) of Sumatra serow was 48 (24 pairs in both male and female). The somatic chromosomes consist of 1 pair of large metacentric, 2 pairs large of submetacentric, 1 pair of large acrocentric, 1 pair of medium telocentric, 2 pairs of small submetacentric and 16 pairs of small telocentric chromosome. Sex chromosome X and Y were small telocentric chromosome. The fundamental chromosome number (NF) was 60. G-banding showed that number of bands was 149. ISSR analysis revealed 143 bands with the size between 300 to 1200 bp. The genetic distance ranged from 0.06 to 0.13 with an average of 0.10 and similarity index was 90 percent.

Key words : Karyotype, Idiogram, ISSR, Sumatra serow